

Curriculum Vitae

Hugo Mario NAYA MONTEVERDE

Datos personales

Nombre	Hugo Mario NAYA MONTEVERDE
Nombre en citaciones bibliográficas	NAYA H
Sexo	Masculino
Dirección profesional	Institut Pasteur de Montevideo . Mataojo 2020 11400 , Montevideo , Montevideo , Uruguay Teléfono: (5982) 5220910 Extensión: 122 Fax: (5982) 5224185 E-mail: naya@pasteur.edu.uy URL home page: www.pasteur.edu.uy

Áreas de actuación

- 1 Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Otros Tópicos Biológicos/Bioinformática
- 2 Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Otros Tópicos Biológicos/Genómica Computacional
- 3 Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Genética Cuantitativa

Formación académica/Titulación

2000-2004	Doctorado - Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Uruguay Título: Aspectos evolutivos del contenido en guanina y citosina (G+C) de los genomas procariotas Año de obtención: 2004 Tutor: Héctor Musto Becario de: Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas, Uruguay Palabras Clave: contenido GC; procariotas; evolución Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Genómica Computacional.
1995-1999	Grado - Licenciatura en Ciencias Biológicas Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Uruguay Título: Factores de corrección en extensión de lactancias Año de obtención: 1999 Tutor: Jorge Ignacio Urioste Aguerre Palabras Clave: extensión de lactancias; genética lechera Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Mejoramiento Genético Animal.

Formación complementaria

2005-2005	Postdoctorado University of Wisconsin - Madison, Estados Unidos Palabras Clave: métodos Bayesianos MCMC; modelo filogenético Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Genómica Computacional; Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Genética Cuantitativa.
2004-2004	Postdoctorado Stazione Zoológica de Napoli, Italia Palabras Clave: contenido G+C Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Otros Tópicos Biológicos/Genómica Computacional.
2008-	Cursos de corta duración Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria, Argentina Título: Alineamiento de secuencias.
2008-	Cursos de corta duración Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria, Argentina Título: Herramientas bioinformáticas para genómica comparativa de procariotas.

Idiomas

Entiende	Inglés(Bien) Portugués(Bien) Francés(Bien) Español(Muy bien)
Habla	Inglés(Bien) Portugués(Bien) Francés(Bien) Español(Muy bien)
Lee	Inglés(Muy bien) Portugués(Muy bien) Francés(Muy bien) Español(Muy bien)
Escribe	Inglés(Bien) Portugués(Regular) Francés(Bien) Español(Muy bien)

Actuación profesional

Institut Pasteur de Montevideo - IPMon

Vínculos con la institución

2006 - Actual Vínculo: Funcionario. Encuadramiento funcional: Responsable de la Unidad de Bioinformática. Régimen: Dedicación total

Actividades

01/2008 - Actual *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Unidad de Bioinformática.

Participación en proyecto

1. [Data Quality Management for Model Improvement in GWAS](#).

01/2008 - Actual *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Unidad de Bioinformática.

Participación en proyecto

1. [High-Content High-Throughput Flow cytometry: Development of a multi-application technical platform](#).

- 01/2007 - Actual *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Unidad de Bioinformática.
Participación en proyecto
1. [Merging, InduCing and Reasoning with Ontologies in BIOinformatics – The MICROBIO Project.](#)
- 01/2007 - Actual *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Unidad de Bioinformática.
Participación en proyecto
1. [Generación de capacidad de anotación de genomas.](#)
- 06/2006 - 06/2006 *Docencia/Enseñanza*, Nivel: Doctorado.
Disciplinas dictadas
1. The first joint Pasteur/Wellcome Trust course on genomics in South America.
- 10/2005 - 11/2005 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Institut Pasteur de Montevideo.
Participación en proyecto
1. [Análisis de herramientas informáticas disponibles para la implementación de un LIMS en el IP - Montevideo.](#)
- 01/2007 - 01/2009 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática.
Participación en proyecto
1. [Desarrollo de capacidades bioinformáticas en el área de anotación genómica.](#)
- 01/2007 - 07/2008 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática.
Participación en proyecto
1. [Dominancia de un único genotipo de especies apomíticas: deriva genética o genotipos generalistas en Paspalum dilatatum.](#)
- 05/2007 - 06/2007 *Docencia/Enseñanza*, CP - FAgro, Nivel: Maestría.
Disciplinas dictadas
1. Linear Models in Quantitative Genetics.
- 06/2008 - 07/2008 *Docencia/Enseñanza*, EMBO, Nivel: Doctorado.
Disciplinas dictadas
1. Advanced Course on Bioinformatics and Comparative Genome Analysis.
- 11/2007 - 11/2007 *Otra actividad técnico-científica relevante.*
Actividades realizadas
1. "Third Meeting STIC-AMSUD", Taller de Bioinformática y Sistemas de Información Biológica".
- 06/2007 - 07/2007 *Docencia/Enseñanza*, Maestría en Ciencias Biológicas (PEDECIBA), Nivel: Maestría.
Disciplinas dictadas
1. Introducción a la programación de aplicaciones bioinformáticas en bash.
- 08/2007 - 11/2007 *Docencia/Enseñanza*, PEDECIBA, Nivel: Maestría.
Disciplinas dictadas
1. Introducción a la Genómica Computacional.
- 05/2008 - 06/2008 *Docencia/Enseñanza*, INTA, Nivel: Doctorado.
Disciplinas dictadas
1. Alineamiento de secuencias.
- 04/2007 - 04/2007 *Docencia/Enseñanza*, INTA, Nivel: Doctorado.
Disciplinas dictadas
1. Herramientas bioinformáticas para genómica comparativa de procariontes.
- 10/2009 - 12/2009 *Docencia/Enseñanza*, PEDECIBA, Nivel: Maestría.
Disciplinas dictadas
1. Taller de Bioinformática.
- 08/2009 - 10/2009 *Docencia/Enseñanza*, CP - FAgro, Nivel: Maestría.
Disciplinas dictadas
1. Bases de la Genética Cuantitativa.
- 09/2008 - 11/2008 *Docencia/Enseñanza*, Maestría en Ciencias Biológicas (PEDECIBA), Nivel: Maestría.
Disciplinas dictadas
1. Introducción a la Genómica Computacional.

Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas - PEDECIBA

Vínculos con la institución

2005 - Actual Vínculo: Colaborador. Encuadramiento funcional: Area Biología, Docente Grado 3.

Actividades

- 04/2009 - Actual *Gestión Académica*, PEDECIBA.
Cargos o funciones
1. Consejo Científico del Área Biología (Suplente).
- 02/2010 - Actual *Gestión Académica*, Maestría en Bioinformática.
Cargos o funciones
1. Coordinador.
- 03/2000 - 12/2005 *Docencia/Enseñanza*, Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA), Nivel: Maestría.

- Disciplinas dictadas
1. Genómica e introducción a las herramientas de bioinformática.
 2. Genética molecular, aspectos básicos y aplicados.

06/2007 - 07/2007 *Docencia/Enseñanza*, Ciencias Biológicas,
Nivel: Doctorado.

- Disciplinas dictadas
1. Introducción a la programación de aplicaciones bioinformáticas en bash.

08/2006 - 11/2006 *Docencia/Enseñanza*, Ciencias Biológicas,
Nivel: Doctorado.

- Disciplinas dictadas
1. Introducción a la Genómica Computacional.

03/2009 - 02/2010 *Gestión Académica*, Maestría en Bioinformática.

- Cargos o funciones
1. Coordinador alterno .

Universidad de la República - Facultad de Agronomía - UDELAR

Vínculos con la institución

2001 - 2006 Vínculo: Funcionario. Encuadramiento funcional: Asistente. Grupo Mejoramiento Genético Animal. Carga horaria: 40.

Actividades

03/2004 - Actual *Gestión Académica*, Colegio de Posgrados.

- Cargos o funciones
1. Miembro.

03/2001 - 12/2005 *Docencia/Enseñanza*,
Nivel: Grado.

- Disciplinas dictadas
1. Zootecnia.
 2. Mejoramiento Genético en Bovinos de Carne. EEMAC.
 3. Bovinos de Carne. EEMAC.

03/2005 - 03/2008 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, PDT.

- Participación en proyecto
1. [Disminución de fibras pigmentadas en Corriedale por vías genéticas.](#)

03/2002 - 03/2004 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Facultad de Agronomía - Facultad de Veterinaria. CSIC.

- Participación en proyecto
1. [Fibras coloreadas en Corriedale.](#)

03/2002 - 03/2004 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, ARU - SCAAU - Fac. Agronomía - INIA.

- Participación en proyecto
1. [Evaluación genética de reproductores ABERDEEN ANGUS.](#)

01/2002 - 12/2002 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, ARU - SCHU - Fac. Agronomía - INML - INIA.

- Participación en proyecto
1. [Mejoras al modelo de evaluación de leche en la raza Holando en Uruguay, corrección por heterogeneidad de varianzas.](#)

01/2003 - 03/2004 *Capacitación/Entrenamientos dictados*, Facultad de Agronomía, Departamento de Producción Animal y Pasturas.

- Capacitación/Entrenamientos dictados
1. Descripción de diferentes tipos de pigmentación en la zona del vellón y no vellón en una majada experimental Corriedale.

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDELAR

Vínculos con la institución

2000 - 2000 Vínculo: Colaborador. Encuadramiento funcional: Asist. Lab Org. y Evolución del Genoma. Carga horaria: 20.

Actividades

03/2000 - 12/2003 *Docencia/Enseñanza*,
Nivel: Grado.

- Disciplinas dictadas
1. Biología Molecular.

06/2006 - 06/2008 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, PDT.

- Participación en proyecto
1. [Dinámica evolutiva de la maquinaria traduccional de nuevos aminoácidos.](#)

01/2001 - 12/2001 *Proyectos de Investigación y Desarrollo*, Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma. DINACYT.

- Participación en proyecto
1. [Estudio sobre la relación entre el contenido en GC genómico y la respiración aerobia y anaerobia en organismos procaríotas y eucariotas.](#)

08/2002 - 09/2002 *Pasantías*, Univ. Pierre et Marie Curie, Paris VI, Atelier Bio Informatique.

- Pasantía realizada
1. Pasantía.

Líneas de investigación

Proyectos de investigación y desarrollo

2008 - Actual [Data Quality Management for Model Improvement in GWAS](#)

Coordinador o Responsable
Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Investigación.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (1); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; RUGGIA R (Responsable).
Financiador(es): ; Institución del exterior - Inst. Exterior (Apoyo financiero)

2008 - Actual [High-Content High-Throughput Flow cytometry: Development of a multi-application technical platform](#)

Coordinador o Responsable
Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Desarrollo.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; GARCÍA JM (Responsable); VIDALAIN PO (Responsable); SALL A (Responsable).
Financiador(es): ; Institución del exterior - Inst. Exterior (Apoyo financiero)

2007 - 2008 [Dominancia de un único genotipo de especies apomícticas: deriva genética o genotipos generalistas en *Paspalum dilatatum*](#)

Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Desarrollo.
Alumnos: Pregrado (1); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; SPERANZA P (Responsable).
Financiador(es): ; DINACYT/DICYT/CONICYT - DICYT (Apoyo financiero)

2007 - 2009 [Desarrollo de capacidades bioinformáticas en el área de anotación genómica](#)

Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Investigación.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; ALVAREZ-VALIN F (Responsable); CAPDEVIELLE F.
Financiador(es): ; Otra institución nacional - Inst. Nacional (Apoyo financiero)

2007 - Actual [Merging, InduCing and Reasoning with Ontologies in BIOinformatics – The MICROBIO Project](#)

Integrante del Equipo
Situación: En Marcha.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H (Responsable).
Financiador(es): ; Otra institución nacional - Inst. Nacional (Apoyo financiero)

2007 - Actual [Generación de capacidad de anotación de genomas](#)

Integrante del Equipo
Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Investigación.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H (Responsable).
Financiador(es): ; Otra institución nacional - Inst. Nacional (Apoyo financiero)

2006 - 2008 [Dinámica evolutiva de la maquinaria traduccional de nuevos aminoácidos](#)

Integrante del Equipo
Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Investigación.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; ROMERO H (Responsable); GRANA M.
Financiador(es): ; DINACYT/DICYT/CONICYT - DICYT (Apoyo financiero)

2005 - 2008 [Disminución de fibras pigmentadas en Corriedale por vías genéticas](#)

Integrante del Equipo
Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Investigación.
Alumnos: Pregrado (1); Especialización (0); Maestría académica (1); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; KREMER R (Responsable); URIOSTE JI (Responsable).
Financiador(es): ; DINACYT/DICYT/CONICYT - DICYT (Apoyo financiero)

2005 - 2005 [Análisis de herramientas informáticas disponibles para la implementación de un LIMS en el IP - Montevideo](#)

Descripción: Estudio de diferentes alternativas para la implementación de un sistema de manejo de la información de laboratorio en el Institut Pasteur de Montevideo
Situación: Concluido; Tipo/Clase: Desarrollo.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H (Responsable).
Financiador(es): ; Otra institución nacional - Inst. Nacional (Remuneración)

2002 - 2004 [Fibras coloreadas en Corriedale](#)

Integrante del Equipo
Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigación.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; KREMER R (Responsable); URIOSTE JI (Responsable).
Financiador(es): ; Universidad de la República -Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDELAR-CSIC (Apoyo financiero)

2002 - Actual [Evaluación genética de reproductores ABERDEEN ANGUS](#)

Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Desarrollo.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; URIOSTE JI (Responsable).
Financiador(es): ; Otra institución nacional - Inst. Nacional (Apoyo financiero)

2002 - 2002 [Mejoras al modelo de evaluación de leche en la raza Holando en Uruguay, corrección por heterogeneidad de varianzas](#)

Integrante del Equipo
Situación: Concluido; Tipo/Clase: Desarrollo.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; URIOSTE JI (Responsable).
Financiador(es): ; Otra institución nacional - Inst. Nacional (Apoyo financiero)

2001 - 2001 [Estudio sobre la relación entre el contenido en GC genómico y la respiración aerobia y anaerobia en organismos procaríotas y eucariotas](#)

Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigación.
Alumnos: Pregrado (0); Especialización (0); Maestría académica (0); Maestría profesionalizante (0); Doctorado (0).
Integrantes: NAYA H; MUSTO H (Responsable); ROMERO H.
Financiador(es): ; Universidad de la República -Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDELAR-CSIC (Apoyo financiero)

Significación de su trabajo en el contexto de los principales problemas planteados en su área

Nuestra área de trabajo se centra en el análisis de datos biológicos. Las nuevas tecnologías en el área de biología molecular han llevado a enormes desafíos en el manejo de la información, producto del volumen de la misma y su heterogeneidad. En este contexto, los métodos de análisis y de integración de la información constituyen un área muy activa de la biología computacional. En particular, resulta de nuestro interés la información generada mediante chips de SNPs de alta densidad, los métodos de análisis de estos datos, el tratamiento de los datos faltantes, el registro de metadatos y posibilidades de integración de diferentes estudios a través de propiedades de calidad definidas sobre los mismos. Otras áreas de trabajo incluyen análisis de datos en Citometría de Flujo de Alto Rendimiento, y genómica funcional, particularmente algoritmos de predicción de genes blanco para microRNAs. Una línea de trabajo relativamente marginal, involucra la genómica evolutiva. Parte importante de nuestro trabajo anterior consistió en la búsqueda de posible factores eco-fisiológicos que afectan el contenido G+C de los organismos procariontes. En este sentido, mostramos la asociación existente entre aerobiosis y alto contenido G+C y aportamos tres posibles hipótesis seleccionistas que los podrían estar explicando. Contribuimos además con algunos manuscritos al debate alrededor de la importancia de la temperatura óptima de crecimiento en el contenido G+C de los procariontes, tanto a nivel general como de algún grupo específico. En este contexto, en lo metodológico, aportamos el modelo mixto filogenético bayesiano como forma de estimar correlaciones filogenéticas entre caracteres, además de la estimación de la incidencia de otros factores evolutivos. Otros aportes en esta línea de trabajo incluyen análisis composicionales de genomas particulares, la descripción de posibles artefactos metodológicos y dos métodos para predecir el contenido G+C genómico en procariontes a partir de una muestra de genes. Otros trabajos comprenden el análisis de información y estimación de parámetros genéticos en el área de mejoramiento genético animal. En particular, recientemente describimos y comparamos el uso de modelos Poisson y Poisson con Exceso de Ceros (ZIP) en el modelado del número de lunares en ovinos como variable Proxy del número de fibras pigmentadas por animal. A pesar de la dificultad en el tratamiento genético/estadístico del número de lunares su medición es mucho más sencilla y barata que la medición del número de fibras por lo que podría integrarse fácilmente en programas de mejora. En la actualidad, como responsable de la Unidad de Bioinformática del Institut Pasteur de Montevideo, nuestras responsabilidades incluyen brindar servicios en bioinformática a la comunidad científica y especialmente el análisis de datos de la recientemente creada plataforma de microarrays.

Producción bibliográfica

Artículos completos publicados en revistas arbitradas

- 1 GARCÍA JM; GAO A; HE PL; CHOI J; TANG W; BRUZZONE R; SCHWARTZ O; NAYA H; NAN FJ; LI J; ALTMAYER R; ZUO JP High-throughput screening using pseudotyped lentiviral particles: a strategy for the identification of HIV-1 inhibitors in a cell-based assay. *Antiviral Research* , v. 81 3 , p. 239-247, 2009.
Palabras Clave: HIV; Pseudotyped lentiviral particles; High-throughput screening; HTS; Cocktail library; NNRTI
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Virología/HIV.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0166-3542
- 2 DE LOS CAMPOS G; NAYA H; GIANOLA D; CROSSA J; LEGARRA A; MANFREDI E; WEIGEL K; COTES JM Predicting Quantitative Traits with Regression Models for Dense Molecular Markers and Pedigrees. *Genetics*, v. 182 , p. 375-385, 2009.
Palabras Clave: dense markers
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Genética Estadística.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0016-6731
- 3 ROMERO H; PEREIRA E; NAYA H; MUSTO H Oxygen and GC profiles in marine environments. *Journal of Molecular Evolution*, v. 69 , p. 203-206, 2009.
Palabras Clave: aerobiosis; GC content; Metagenomics
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0022-2844
- 4 WEIGEL K; DE LOS CAMPOS G; GONZALEZ-RECIO O; NAYA H; WU XL; LONG N; ROSA GJM; GIANOLA D "Predictive ability of direct genomic values for Lifetime Net Merit of Holstein sires using selected subsets of single nucleotide polymorphism markers. *Journal of Dairy Science*, v. 92 , p. 5248-5257, 2009.
Palabras Clave: dense markers; predictive ability
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Genética Cuantitativa.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0022-0302
- 5 SABBIA V; ROMERO H; MUSTO H; NAYA H Composition profile of the human genome at the chromosome level. *Journal of Biomolecular Structure and Dynamics*, v. 27 , p. 361-370, 2009.
Palabras Clave: human genome; compositional profile; GC content
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0739-1102
- 6 NAYA H; URIOSTE JI; CHANG YM; RODRIGUES-MOTTA M; KREMER R; GIANOLA D A comparison between Poisson and Zero-inflated Poisson regression models with an application to number of black spots in Corriedale sheep. *Genetics Selection Evolution*, v. 40 , p. 379-394, 2008.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Genética Cuantitativa; Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0999-193X
- 7 JUBANY S; TOMASCO I; PONCE DE LEÓN I; MEDINA K; CARRAU F; ARRAMBIDE N; NAYA H; GAGGERO C Toward a global database for the molecular typing of *Saccharomyces cerevisiae* strains. *Fems Yeast Research*, v. 8 , p. 472-484, 2008.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Biología Molecular; Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 1567-1356
- 8 MARTON S; GARCIA MR; ROBELLO C; PERSSON H; TRAJTENBERG F; PRITSCH O; ROVIRA C; NAYA H; DIGHIRO H; CAYOTA A Small RNAs analysis in CLL reveals a deregulation of miRNA expression and novel miRNA candidates of putative relevance in CLL pathogenesis. *Leukemia*, v. 22 , p. 330-338, 2008.
Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud/Medicina Básica/Genética Humana/Genómica Funcional del Cáncer; Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0887-6924
- 9 URIOSTE JI; CHANG YM; NAYA H; GIANOLA D Genetic variability in calving success in Aberdeen Angus cows under extensive recording. *Animal*, v. 1 , p. 1081-1088, 2007.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético; Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Genética Cuantitativa.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 1751-7311

- 10 **SABBIA V; PIOVANI R; RODRÍGUEZ-MASEDA H; NAYA H; ROMERO H; MUSTO H** Trends of amino acid usage in the proteins from the human genome. *Journal of Biomolecular Structure and Dynamics*, v. 25 , p. 55-59, 2007.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0739-1102
- 11 **MUSTO H; NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G** Genomic GC level, optimal growth temperature, and genome size in prokaryotes.. *Biochemical and Biophysical Research Communications*, v. 347 1 , p. 1-3, 2006.
Palabras Clave: prokaryotes; genome evolution; genome size; GC level; optimal growth temperature
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0006-291X
- 12 **NAYA H; GIANOLA D; ROMERO H; URIOSTE JI; MUSTO H** Inferring parameters shaping amino acid usage in prokaryotic genomes via Bayesian MCMC methods.. *Molecular Biology and Evolution*, v. 23 1 , p. 203-211, 2006.
Palabras Clave: Bayesian methods; MCMC; amino acid usage; genome evolution; linear models; GC content
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva; Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0737-4038
- 13 **ZAVALA A; NAYA H; ROMERO H; SABBIA V; PIOVANI R; MUSTO H** Genomic GC content prediction in prokaryotes from a sample of genes.. *Gene*, v. 357 2 , p. 137-143, 2005.
Palabras Clave: Genome; Bacteria; Estimator; Prediction
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva; Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0378-1119
- 14 **MUSTO H; NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G** The correlation between genomic G+C and optimal growth temperature of prokaryotes is robust: a reply to Marashi and Ghalanbor.. *Biochemical and Biophysical Research Communications*, v. 330 2 , p. 357-360, 2005.
Palabras Clave: genome evolution; isochores; DNA thermodynamic stability
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0006-291X
- 15 **NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; RODRÍGUEZ-MASEDA H; MUSTO H** Correspondence analysis of amino acid usage within the family Bacillaceae.. *Biochemical and Biophysical Research Communications*, v. 325 4 , p. 1252-1257, 2004.
Palabras Clave: optimal growth temperature; genomic GC; proteome; multivariate analysis; genome evolution
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0006-291X
- 16 **MUSTO H; NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G** Correlations between genomic GC levels and optimal growth temperatures in prokaryotes.. *Febs Letters*, v. 573 1 3, p. 73-77, 2004.
Palabras Clave: genome evolution; isochores; DNA thermodynamic stability
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0014-5793
- 17 **NAYA H; ROMERO H; ZAVALA A; ALVAREZ B; MUSTO H** Aerobiosis increases the genomic guanine plus cytosine content (GC%) in prokaryotes.. *Journal of Molecular Evolution*, v. 55 3 , p. 260-264, 2002.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0022-2844
- 18 **ZAVALA A; NAYA H; ROMERO H; MUSTO H** Trends in codon and amino acid usage in *Thermotoga maritima*.. *Journal of Molecular Evolution*, v. 54 5 , p. 563-568, 2002.
Palabras Clave: codon usage; amino acid usage; amino acid frequency; *Thermotoga maritima*; GC3 content
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0022-2844
- 19 **NAYA H; ROMERO H; CARELS N; ZAVALA A; MUSTO H** Translational selection shapes codon usage in the GC-rich genome of *Chlamydomonas reinhardtii*.. *Febs Letters*, v. 501 2 3, p. 127-130, 2001.
Palabras Clave: codon usage; translational selection; mutational bias; *Chlamydomonas reinhardtii*
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0014-5793

Artículos completos publicados en revistas NO arbitradas

- 1 **REGO N; NAYA H; LAMOLLE G; ALVAREZ-VALIN F** Evolutionary and comparative genomics of leptospira. *Electronic Journal of Communication Information and Innovation in Health*, v. 1 2 , p. Sup321-Sup328, 2007.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Internet; ISSN/ISBN: 1981-6286

Artículos resumidos publicados en periódicos

Libros publicados

Capítulos de libros publicados

Libro organizado o edición

Trabajos completos en anales de eventos

- 1 **NAYA H** Comparative Methods in Genomics from a Bayesian MCMC Perspective. In: *Global Dialogues on Emerging Science and Technology*, 2006, Petrópolis. . 2006.
Palabras Clave: métodos Bayesianos MCMC
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática; Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Otros;
- 2 **NAYA H; ROMERO H; REGO N; ARRAMBIDE N** Estimación del contenido G+C genómico a partir de una muestra de genes. In: *2das. Jornadas de la Red Iberoamericana de Bioinformática*, 2006, Buenos Aires. . 2006.

Palabras Clave: contenido G+C; algoritmos heurísticos

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva; Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.

Medio de divulgación: Internet;

Resúmenes simples en anales de eventos

- 1 SPANGENBERG L; REGO N; ROMERO H; *NAYA H* An easy way to incorporate phylogenetic uncertainty in the comparative model. In: ISCB-LA 2010, 2010, Montevideo. . 2010.
Palabras Clave: Comparative model
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Evolución.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 2 FERNANDEZ T; SPANGENBERG L; CHAPARRO A; REGO N; MARIN M; *NAYA H* Understanding implications of tissue-specific codon usage in human. In: ISCB-LA 2010, 2010, Montevideo. . 2010.
Palabras Clave: codon usage
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 3 REGO N; GRAÑA M; LAMOLLE G; ALVAREZ-VALIN F; *NAYA H* Lifestyle, gene repertory and base composition bias in spirochetes. In: ISCB-LA 2010, 2010, Montevideo. . 2010.
Palabras Clave: Leptospira; comparative genomics
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 4 *NAYA H*; PETRIGH R; REGO N; VALENTINI B; ECHAIDE I; FARBER M Integrated in silico-wet biology approach for improving the annotation of Babesia bigemina perforin family. In: ISCB-LA 2010, 2010, Montevideo. . 2010.
Palabras Clave: Babesia; perforins
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 5 GONZALEZ-REYMUNDEZ A; *NAYA H*; SPERANZA P Simulación de la estructuración geográfica de la variabilidad genética en especies del género Paspalum: Deriva Genética o Dominancia Genotípica. In: XIV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias, 2009, . . 2009.
Palabras Clave: simulaciones espaciales de genotipos
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Genética Computacional.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 6 GRAÑA M; ROMERO H; DANS P; *NAYA H* Scaling properties of biopolymers assessed through protein crystal structures. In: ISMB/ECCB 2009, 2009, Estocolmo. . 2009.
Palabras Clave: comparative genomics
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Medio de divulgación: Papel;
- 7 RUGGIA R; *NAYA H* Improving Meta-Analysis based GWAS through data quality management. In: Microsoft Research Conference, 2009, Seattle. . 2009.
Palabras Clave: GWAS
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Medio de divulgación: Papel;
- 8 ROMERO H; GRAÑA M; DANS P; *NAYA H* Scaling in Biology: Exploring Surface-to-Volume Ratios and other Properties within Thousands of X-ray Structures. In: ECCB2006, 2007, Eilat. . 2007.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 9 URIOSTE JI; PEÑAGARICANO F; LOPEZ R; LLANEZA F; LAFUENTE C; LOPEZ MASS C; *NAYA H*; KREMER R Variability in pigmentation levels on Corriedale sheep: Preliminary results. 2. Pigmentation in non-fleece areas. In: XX Congreso de ALPA, 2007, Cusco. . 2007.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
- 10 PEÑAGARICANO F; URIOSTE JI; LOPEZ R; LLANEZA F; LAFUENTE C; LOPEZ MASS C; *NAYA H*; KREMER R Variability in pigmentation levels on Corriedale sheep: Preliminary results. 2. Pigmentation in non-fleece areas. In: XX Congreso de ALPA, 2007, Cusco. . 2007.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 11 *NAYA H*; URIOSTE JI; CHANG YM; RODRIGUES-MOTTA M; KREMER R; GIANOLA D REGRESIÓN DE POISSON Y POISSON CON EXCESO DE CEROS APLICADA AL MODELADO DE LUNARES EN OVEJAS CORRIEDALE. In: XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias, 2007, . . 2007.
Palabras Clave: Poisson con exceso de ceros; ZIP
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Bioestadística.
Medio de divulgación: Papel;
- 12 REGO N; *NAYA H*; ALVAREZ-VALIN F REDUCCIÓN GENÓMICA EN ESPIROQUETAS PATÓGENAS. In: , 2007, . . 2007.
Palabras Clave: Leptospira; genómica comparativa
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Medio de divulgación: Papel;
- 13 *NAYA H*; ROMERO H An heuristic approach to incorporate prior information into prokaryotic genomic GC prediction. In: ISMB, 2006, 2006, Fortaleza. . 2006.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva; Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Medio de divulgación: Otros;
- 14 *NAYA H*; URIOSTE JI; CHANG YM; RODRÍGUEZ-MOTTA M; KREMER R; GIANOLA D Poisson and Zero-Inflated Poisson regression applied to the modeling of black spots in corriedale sheep. In: 8th WCGALP, 2006, . . 2006.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Genética y Herencia /Genética Cuantitativa; Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 15 PIOVANI R; *NAYA H*; SABBIA V; MUSTO H Codon instability at high GC level in the comparison between Human and Chimpanzee. In: ISMB, 2006, 2006, Fortaleza. . 2006.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: CD-Rom;
- 16 SABBIA V; PIOVANI R; *NAYA H*; MUSTO H Characterization of homogeneous and heterogeneous regions in the human genome and compositional features of individual chromosomes. In: ISMB, 2006, 2006, Fortaleza. . 2006.

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: CD-Rom;

- 17 ROMERO H; NAYA H; ZAVALA A; MUSTO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G Selective forces driving Guanine+Cytosine (GC%) content in prokaryotes. In: ECCB/ISMB, 2004, Glasgow. . 2004.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Otros;
- 18 ROMERO H; NAYA H; ZAVALA A; MUSTO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G Selective forces and GC% content in prokaryotes. In: Gordon Conference on Theoretical Biology and Biomathematics, 2004, Tilton, NH. . 2004.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Otros;
- 19 ZAVALA A; ROMERO H; NAYA H; MUSTO H Codon usage in Cyprinidae fishes, evidence of translational selection. In: XIX International Congress of Biochemistry and Molecular Biology, 2003, Toronto. . 2003.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Otros;
- 20 PEREIRA GI; DE MIQUELERENA JM; URIOSTE JI; NAYA H; LÓPEZ C; SURRACO L Presencia de fibras pigmentadas en una majada experimental Corriedale. In: 12º Congreso Mundial Corriedale, 2003, Montevideo. . 2003.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 21 KREMER R; URIOSTE JI; NAYA H; ROSÉS L; RISTA L; LÓPEZ C Incidence of skin spot and pigmentation in Corriedale sheep. In: IX World Congress in Animal Production, 2003, Porto Alegre. . 2003.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 22 ESPASANDÍN AC; URIOSTE JI; NAYA H; ROSÉS L; RISTA L; LÓPEZ C Identification of production environments in Angus populations of Brazil and Uruguay using cluster analysis. In: IX World Congress in Animal Production, 2003, Porto Alegre. . 2003.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 23 URIOSTE JI; NAYA H; CHILIBROSTE P Evaluación cuantitativa de curvas de lactancia de vacas Holando en Uruguay. I Descripción de la población. In: Congreso de AAPA, 2002, Buenos Aires. . 2002.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 24 NAYA H; URIOSTE JI; CHILIBROSTE P Evaluación cuantitativa de curvas de lactancia de vacas Holando en Uruguay. II Ajuste de un modelo bifásico. In: Congreso de AAPA, 2002, Buenos Aires. . 2002.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 25 CHILIBROSTE P; NAYA H; URIOSTE JI Evaluación cuantitativa de curvas de lactancia de vacas Holando en Uruguay. III Implicancias biológicas de las curvas de lactancia multifásicas. In: Congreso de AAPA, 2002, Buenos Aires. . 2002.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 26 NAYA H; URIOSTE JI; FRANCO J Identification of production environment and presence of GxE interaction in Uruguay using Holstein Herds records. In: 7th WCGALP, 2002, Montpellier. . 2002.
Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Mejoramiento Genético.
Medio de divulgación: Otros;
- 27 ROMERO H; ZAVALA A; NAYA H; MUSTO H Rearrangement and the . In: 27th Meeting of the Federation of European Biochemical Societies, 2001, Lisboa. . 2001.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Otros;
- 28 ZAVALA A; NAYA H; ROMERO H; MUSTO H Uso de codones sinónimos en *Oncorhynchus mykiss*: evidencias de selección. In: Congreso de la Sociedad Uruguaya de Biociencias, 2000, Montevideo. . 2000.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Otros;
- 29 NAYA H; MUSTO H; ROMERO H; ZAVALA A Hidrofobicidad, propiedades composicionales, uso de codones sinónimos y frecuencia de aminoácidos en los genomas completamente secuenciados de las bacterias *Neisseria meningitidis* y *Thermotoga maritima*. In: 2º Encuentro de Jóvenes Biólogos , 2000, Montevideo. . 2000.
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Evolutiva.
Medio de divulgación: Otros;

Resúmenes expandidos en anales de eventos

Textos en periódicos

Producción técnica

Otra producción

Tutorías concluidas

Tesis/Monografía de grado

- 1 Leonardo Delgado Caracterización de una familia de metiltransferasas hipotéticas de función desconocida de Mycobacterium tuberculosis mediante el uso de herramientas bioinformáticas y análisis de Microarrays. 2009. Tesis/Monografía de grado, Licenciatura en Bioquímica, UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ciencias. (Tutor).
Palabras Clave: predicción de función; metiltransferasas; Mycobacterium tuberculosis
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Referencias adicionales: Uruguay/Español, Tipo de orientación: Tutor principal
- 2 Gabriela Romero Sistema de Recuperación de Evidencia Experimental. 2009. Tesis/Monografía de grado, Ingeniería en Computación, UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ingeniería. (Tutor).
Palabras Clave: Procesamiento de Lenguaje Natural; evidencia experimental
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Referencias adicionales: Uruguay/Español, Tipo de orientación: Cotutor/asesor
- 3 Álvaro Pena Análisis bioinformático de nuevos microRNAs involucrados en la Leucemia Linfocítica Crónica. 2008. Tesis/Monografía de grado, Licenciatura en Ciencias Biológicas, UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ciencias. (Tutor).
Palabras Clave: microRNAs; Leucemia Linfocítica Crónica
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Referencias adicionales: Uruguay/Español, Tipo de orientación: Tutor principal
- 4 Germán Viera, Gastón Pirez, Julián Magnone Análisis de Información en Citometría de Flujo. 2008. Tesis/Monografía de grado, Ingeniería en Computación, UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ingeniería. (Tutor).
Palabras Clave: High Throughput Flow Cytometry; Análisis de datos multidimensionales
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Referencias adicionales: Uruguay/Español, Tipo de orientación: Cotutor/asesor
- 5 Federico Romero, Helena Muñoz Buscando relaciones entre enfermedades y genes a partir de la literatura biomédica. 2008. Tesis/Monografía de grado, Ingeniería en Computación, UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ingeniería. (Tutor).
Palabras Clave: Procesamiento de Lenguaje Natural; relación gen-enfermedad
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Referencias adicionales: Uruguay/Español, Tipo de orientación: Cotutor/asesor

Evaluaciones

Otros datos Relevantes

Jurado/Integrante de comisiones evaluadoras de trabajos académicos

- 1 Participación en comités de Guillermo Lamolle. La mutación, la función y la evolución. 2006. (Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ciencias.
Referencias adicionales: Uruguay/Español
PEDECIBA - Genética orientador: Fernando Álvarez-Valín

Trabajo de conclusión de curso de pregrado

- 1 Participación en comités de Elisa Budelli. Algoritmos de predicción de la estructura secundaria en proteínas. 2006. Trabajo de conclusión de curso, (Pregrado) (Ingeniería en Computación), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ingeniería.
Referencias adicionales: Uruguay/Español
orientadores: Alfredo Viola y Fernando Álvarez-Valín
- 2 Participación en comités de Diego Espinosa. Cadenas ocultas de Markov para la predicción de genes. 2005. Trabajo de conclusión de curso, (Pregrado) (Ingeniería en Computación), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ingeniería.
Referencias adicionales: Uruguay/Español
orientador: Carlos Testuri
- 3 Participación en comités de Pablo Gallo. Cadenas ocultas de Markov para la predicción de genes. 2005. Trabajo de conclusión de curso, (Pregrado) (Ingeniería en Computación), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ingeniería.
Referencias adicionales: Uruguay/Español
orientador: Carlos Testuri
- 4 Participación en comités de Federico Sotto. Cadenas ocultas de Markov para la predicción de genes. 2005. Trabajo de conclusión de curso, (Pregrado) (Ingeniería en Computación), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ingeniería.
Referencias adicionales: Uruguay/Español
orientador: Carlos Testuri
- 5 Participación en comités de Gonzalo Pereira. Descripción de diferentes tipos de pigmentación en la zona de vellón y no vellón en una majada experimental Corriedale. 2004. Trabajo de conclusión de curso, (Pregrado) (Ingeniería Agronómica), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Agronomía.
Referencias adicionales: Uruguay/Español
orientador: José I. Urioste

Presentaciones en eventos

Tutorías en marcha

Tesis de maestría

- 1 Álvaro Pena microRNAs: evaluación y mejoras en algoritmos de predicción de blancos, con énfasis en la LLC. Inicio: 2009. Disertación (PEDECIBA), IPMon - Institut Pasteur de Montevideo. (Tutor).
Palabras Clave: microRNAs; Algoritmos de predicción de genes blanco
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
Referencias adicionales: Uruguay/Español
- 2 Natalia Rego Evolución de las vías de señalización INS-IGFs en mamíferos: aproximación genómica para el estudio de sus receptores. Inicio: 2009. Disertación (PEDECIBA), IPMon - Institut Pasteur de Montevideo. (Tutor).
Palabras Clave: receptores; genómica comparativa
Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
Referencias adicionales: Uruguay/Español

3 Francisco Peñaricano Caracterización genética de la presencia de lunares en la raza Corriedale mediante enfoques cuantitativos y moleculares. Inicio: 2009. Disertación (Maestría en Ciencias Agrarias), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Agronomía. (Tutor).

Palabras Clave: fibras pigmentadas; análisis de expresión por microarrays ; comparación de modelos
 Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Genética Cuantitativa.
 Referencias adicionales: Uruguay/Español

Tesis de doctorado

1 Ana Inés Trujillo Evaluación del consumo residual de alimento como una medida de eficiencia alimenticia en bovinos de carne en pastoreo. Inicio: 2009. Tesis (Doctorado en Producción Animal), UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Veterinaria. (Tutor).

Palabras Clave: eficiencia alimenticia; marcadores densos
 Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas/Producción Animal y Lechería/Cría Animal/Genética Cuantitativa.
 Referencias adicionales: Uruguay/Español

Tesis/Monografía de grado

1 Sebastián Valenzuela Aerobiosis, evolución del contenido GC en procariotas y la explosión de datos genómicos: varios años después. Inicio: 2009. Tesis/Monografía de grado, Licenciatura en Ciencias Biológicas, UDELAR - Universidad de la República - Facultad de Ciencias. (Tutor).

Palabras Clave: contenido GC; aerobiosis; procariotas
 Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica Computacional.
 Referencias adicionales: Uruguay/Español

2 Luisina Pocay, Walter Elía Diseño e implementación de base de datos y pipelines flexibles de análisis para genómica comparativa de espiroquetas. Inicio: 2009. Tesis/Monografía de grado, Licenciatura en Bioinformática, UNER - Universidad Nacional de Entre Ríos. (Tutor).

Palabras Clave: genómica comparativa; pipelines de análisis
 Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias de la Computación e Información/Ciencias de la Información y Bioinformática/Bioinformática.
 Referencias adicionales: Argentina/Español

Iniciación a la investigación

1 Actividad tejido específica del Receptor de Estrógenos: herramientas bioinformáticas para el análisis comparativo de expresión génica. Inicio: 2009. Trabajo de Iniciación a la investigación, - . (Tutor).

Palabras Clave: uso de codones; genómica comparativa; análisis de expresión por microarrays
 Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales/Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Bioinformática.
 Referencias adicionales: Uruguay/Español

Otra información relevante

Miembro del Steering Committee, ISCB-LA 2010, Montevideo. Chair de la sesión "Systems Biology", Symposium on Statistical Genetics of Livestock for the Post-Genomic Era, Madison (WI), 2009. (10/02/2010)

Indicadores de producción

	Total
Producción bibliográfica	51
Artículos publicados en revistas científicas	20
Completo en revistas arbitradas	19
Completo en revistas NO arbitradas	1
Trabajos en eventos	31
Completo	2
Resumen	29
<hr/>	
	Total
Producción técnica	0
<hr/>	
	Total
Trabajos dirigidos/Tutorías concluidas	5
Monografía de conclusión de curso de especialización	5
<hr/>	
	Total
Otros datos Relevantes	13
Jurado/Integrante de comisiones evaluadoras de trabajos académicos	6
Trabajos dirigidos/Tutorías en marcha	7